



Internal Reference No.: 記入不要
Key Account Manager Email: 記入不要

Project and Design Specification Form

SeqCap EZ Libraries – Custom

本紙はSeqCap EZ カスタム Libraryをご注文いただくための情報入力フォームです。正確にご注文を処理するために、必要情報を全てご入力ください。日本語で説明文を記載していますが、**英語での入力をお願いいたします**(入力の必要な箇所のみ書き込みが許可されています)。本紙1フォームで1種類のデザインをご指定いただけます。複数種のデザインをご注文いただく場合は、各デザイン種につき1つのフォームを作成してください。

バックグラウンドインフォメーション

- SeqCap EZ カスタム製品群ではお客様のご要望情報に基づきRoche NimbleGen 独自のアルゴリズムを適用してキャプチャープローブを設計いたします(設計プロセス)。設計デザインがご要望に沿っているかをお客様ご自身で最終確認していただいた後に(承認プロセス)、キャプチャープローブを製造いたします(製造プロセス)。
- SeqCap EZ Choice / Choice XL Library 製品は**ヒトゲノムの任意のターゲット領域**をエンリッチするための製品です。
- SeqCap EZ Developer Library 製品は**ヒト以外の生物種の任意のターゲットゲノム領域**やヒトの非定型のターゲットゲノム領域をエンリッチするための製品です。プローブを設計するにはリファレンスとなるシークエンス情報(リファレンスゲノム配列、ドラフトゲノム配列、EST配列など)が必要です。
- SeqCap EZ Human Exome Plus Library 製品は**ヒト網羅的エクソーム領域と、任意の50Mbまでのカスタム領域**を同時にエンリッチするための製品です。SeqCap EZ Human Exome Library v3.0にカスタム領域を追加したい場合に利用できます。
- SeqCap EZ カスタム製品群では、疾患関連領域や形質関連領域などの連続領域だけでなく、候補遺伝子のエクソン領域や変異候補箇所のような非連続領域もターゲット領域として指定できます。総塩基数(Capture target size)が各製品で指定されている範囲内に収まるようにご指定ください。SeqCap EZ Choice Library では7 Mb まで、SeqCap EZ Choice XL Library は 7 Mb~200 Mb まで、SeqCap EZ Developer Library は 200 Mb まで、SeqCap EZ Human Exome Plus Library は 50 Mb までの領域をターゲットとして指定できます。
- SeqCap EZ Choice / Choice XL Library ではUCSC (<http://genome.ucsc.edu/>)のヒトのリファレンス配列(HG 18 または HG 19)のみが設計対象として利用可能です。ヒト以外の生物種や、前述以外のゲノムビルドのデータベースからプローブを設計したい場合には、SeqCap EZ Developer Library をご選択ください。また、ヒトターゲット領域が 200 Mb 以上の場合やプローブ設計時に特殊な要望を希望される場合にも SeqCap EZ Developer Library をご選択ください。
- ゲノムの多様性やターゲット領域に内在する要因により、ターゲットエンリッチメントの方法・製品のパフォーマンスを予測することは困難です。ターゲット配列の複雑さ(例えば GC 含量)、反復配列の分布(レトロトランスポゾン)、ターゲット領域の進化的な歴史(保存性の高いシュードジーンやジーンファミリーなど)、リファレンスゲノムに対

するコピー数 (CNV、超可変領域など) などが要因として挙げられます。新規のデザインを用いられる場合には、大規模実験を行う前に、スモールスケールの実験でそのデザインのパフォーマンスをご確認いただくことをお奨めいたします。

ご注文製品、ご注文数情報

1. ご注文数を記入してください。

該当する製品群のチェックボックス () にチェックを入れ、ご注文数を入力してください。複数のデザインをご注文いただく場合は別フォームを作成してください。

SeqCap EZ Choice を利用したい (7 Mb までのヒトカスタムターゲット領域)

製品名	製品番号 (11桁)	製品番号 (7桁)	ご注文数
SeqCap EZ Choice Library, 4 Reaction	06740251001	6 740 251	
SeqCap EZ Choice Library, 12 Reaction	06266282001	6 266 282	
SeqCap EZ Choice Library, 24 Reaction	06266304001	6 266 304	
SeqCap EZ Choice Library, 48 Reaction	06266312001	6 266 312	
SeqCap EZ Choice Library, 96 Reaction	06266339001	6 266 339	
SeqCap EZ Choice Library, 384 Reaction	06266347001	6 266 347	
SeqCap EZ Choice Library, 960 Reaction	06266355001	6 266 355	

SeqCap EZ Choice XL を利用したい (7 Mb ~ 200 Mb のヒトカスタムターゲット領域)

製品名	製品番号 (11桁)	製品番号 (7桁)	ご注文数
SeqCap EZ Choice XL Library, 4 Reaction	06740260001	6 740 260	
SeqCap EZ Choice XL Library, 12 Reaction	06266363001	6 266 363	
SeqCap EZ Choice XL Library, 24 Reaction	06266371001	6 266 371	
SeqCap EZ Choice XL Library, 48 Reaction	06266380001	6 266 380	
SeqCap EZ Choice XL Library, 96 Reaction	06266398001	6 266 398	
SeqCap EZ Choice XL Library, 384 Reaction	06266401001	6 266 401	
SeqCap EZ Choice XL Library, 960 Reaction	06266517001	6 266 517	

SeqCap EZ Human Exome Plus を利用したい (ヒトエクソームと 50 Mb までのカスタムターゲット領域)

製品名	製品番号 (11桁)	製品番号 (7桁)	ご注文数
SeqCap EZ Exome Plus Library, 12 Reaction	06740189001	6 740 189	
SeqCap EZ Exome Plus Library, 48 Reaction	06740235001	6 740 235	
SeqCap EZ Exome Plus Library, 96 Reaction	06740243001	6 740 243	

SeqCap EZ Developer を利用したい(200 Mbまでのヒト以外の生物種のカスタムターゲット領域)

製品名	製品番号(11桁)	製品番号(7桁)	ご注文数
SeqCap EZ Developer Library, 4 Reaction	06740278001	6 740 278	
SeqCap EZ Developer Library, 12 Reaction	06471684001	6 471 684	
SeqCap EZ Developer Library, 24 Reaction	06471706001	6 471 706	
SeqCap EZ Developer Library, 48 Reaction	06471714001	6 471 714	
SeqCap EZ Developer Library, 96 Reaction	06471722001	6 471 722	
SeqCap EZ Developer Library, 384 Reaction	06471749001	6 471 749	
SeqCap EZ Developer Library, 960 Reaction	06471757001	6 471 757	

デザイン情報

2. 過去に設計済みのデザインを利用するか、新規デザインを依頼されるかを指定してください

 過去に設計済みのデザインを利用したい(該当する場合にはチェックボックスにチェックを入れてください)

IRN番号(10桁のリファレンス番号)または、OID番号(5桁の番号): _____.

デザイン名(例: 110729_HG19_MHC_L2R_D03_EZ, etc.): _____.

 新規デザイン設計を依頼したい(該当する場合にはチェックボックスにチェックを入れてください)

◆ ゲノムビルドを指定してください(リファレンス配列を指定してください)。

ヒトを対象としたデザインの場合、UCSC Genome database (<http://genome.ucsc.edu/>)のHG18かHG19のどちらのバージョンの配列をリファレンス配列として利用するかを指定してください。ヒト以外の生物種を対象としたデザインの場合、リファレンス配列として利用するデータベース名(アクセスサイト)とバージョン番号を指定してください。公共のデータベースに無い配列(FASTA等のファイルを含む)を利用する場合にはデータ形式と受領方法についてご記入ください。

 HG19 HG18 その他: _____.

例: UCSC MM10, Homo sapiens (GRCh37.p10) from Ensembl, Macaque release 70 (ftp://ftp.ensembl.org/pub/release-70/fasta/macaca_mulatta/dna/), unpublished FASTA sequence that will be shipped with DVD media, etc.

◆ デザインの概要についてご記入ください。

Description: _____.

例: design targeting exons from 200 cancer genes version 3, exons and 5' UTR from 100 genes related to ABC disease, 15 contiguous regions selected from DEF project, 2000 loci validation for data G-I, design for 1000 maize genes, capture for whole maize cDNA, several kinds of viral DNA capture, etc.

- ◆ デザイン名に含めたい単語(記号)がある場合にはご記入ください。
(最終デザイン名に10文字までの指定した文字入れることができます)

(非必須) **Design Identifier:** _____

例: *CancerV3 (final design name will be 130130_HG19_CancerV3_EZ_HX3), etc.*

- ◆ ターゲットの総長をご記入ください。

Capture target size: _____

- ◆ ターゲット領域を特定するための位置情報ファイルを作成してください。

位置情報は、**1列目:染色体番号、2列目:開始位置、3列目:終了位置**、の、3列構成で指定する必要があります。各ターゲット領域を正確に座標指定するために、遺伝子名などの情報ではお受けすることができません。ターゲット領域の位置情報はリファレンス配列と同一のバージョン(ビルド)のゲノム配列から作成するようご注意ください。この情報はタブ区切りテキスト形式(txtファイル)で保存してください。

注)ゲノム位置情報ではなく、FASTA情報でご指定いただくことも可能です。

注)ゲノム情報が完全に分からない生物種でデザインを行う場合には、染色体番号ではなく、コンティグ内の位置を指定します。1列目:コンティグ番号、2列目:開始位置、3列目:停止位置でファイルを作成してください。

注)100 bp 未満の小さなターゲット領域に対しては、キャプチャー効率を上げるために、100 bp に延長させた領域に対してプローブを設計いたします。

注)重複した位置情報をお送りいただいた場合、統合した領域に対してプローブを設計いたします。

- ◆ 本紙と、ターゲット領域の位置情報ファイルをメールに添付し、ロシュ・ダイアグノスティクス株式会社AS事業部 マーケティング部 シークエンスソリューショングループ (tokyo.seqsol@roche.com)へお送りください □。

注)弊社でメールを受領しましたら、その旨を返信させていただきます。数日お待ちいただいても返信が無い場合にはお手数ですがお問い合わせください。

- ◆ 必要な全ての情報(代理店様からのご注文書、本紙、ターゲット領域の位置情報ファイル)を確認させていただいた後に、弊社でプローブの設計を行います(設計プロセス)。おおよそ2~3週間後にデザイン結果を返送させていただきます(承認プロセス)。

- ◆ デザイン内容をご確認いただき、了承もしくは修正のご連絡をお願いします。

デザイン結果は、GFF (General Feature Format, .gff) ファイルと BED (UCSC Genome browser format, .bed) ファイルでお送りいたします。これらのファイルには、お客様からご指定いただいたターゲット領域(primary target regions)と、プローブが設計された領域(capture target regions)の位置情報が含まれています。内容確認と承認

連絡の方法も併せてお送りいたしますので、内容をご確認いただき、了承もしくは修正の旨を必ずご返信ください。ご提案させていただいたデザインで問題ない場合でも、ご了承の旨のご連絡が無い場合には、カスタムSeqCap EZは製造プロセスへ進みませんのでご注意ください。

コンタクトインフォメーション

お客様のご連絡先情報についてご記入ください:

お名前: _____

ご所属機関: _____

ご住所（部門名、建物名等）: _____

ご住所（番地）: _____

市町村名: _____ 県名: _____

郵便番号: _____ 国名: _____

電話番号: _____

Emailアドレス: _____

代理店様(ご担当者様)を **日本語** で ご記入ください: _____

追加の情報、備考

デザインについての細かいご注文、ご指定などがある場合、その他のご要望、連絡事項等をご記入ください。内容により弊社担当者より追加のご質問を差し上げる場合がございますが、ご了解ください。

例: My target is viral DNA, but please cross-check the probe specificity against to human sequences (hg19) in order to avoid to capture host genome, etc.

ロシュ・ダイアグノスティックス株式会社
〒105-0014 東京都港区芝2丁目6番1号
TEL. 03-5443-5287 FAX. 03-5443-7098
E-Mail : tokyo.seqsol@roche.com
U R L: <http://www.roche-biochem.jp/>

Notice to Purchaser

For patent license limitations for individual products please refer to: www.technical-support.roche.com.

For life science research only. Not for use in diagnostic procedures.

For life science research only. Not for use in diagnostic procedures.

NIMBLEGEN and SEQCAP are trademarks of Roche. Other brands or product names are trademarks of their respective holders.